

FIGURE 1

* MKTVYVIFLVALLVL-ALAGTYVEAGFCGPIDOEYECNRHCRGN-GFTGGYCTGFLKETCKCYT
MKST-AIFIVLVAFCILEDGIVAEAGFCGPENAGKCHRHCKSL-RRRGFCRGTRITCVCYR
MNAR-VLILICLIVV-CAPATVAVAEAGFCSCPFDOMQCHNHCRSI-KYRGGYCTNLFRKTCKCYG
MNAR-VLILICLIVV-CAPATVIVAEAGFCSCPFDOMQCHNHCRSI-KYRGGYCTNLFRKTCKCYG
MCVTFIMALSY-----PLVDAFGFCPFCQGECLHCKHVKAEGFCTGAFKOTCKCNR
-----GFCCPFNQGACHRHCRSI-RRGGYCAGLFKQTCTCYR

1 63

SEQ ID NO:02
SEQ ID NO:04
SEQ ID NO:06
SEQ ID NO:08
SEQ ID NO:10
SEQ ID NO:11